

Casa Civil

(<http://www.casacivil.gov.br/>)Segurança Pública
(<http://www.justica.gov.br/>)(<https://www.defesa.gov.br/>)Exteriores
(<http://www.itamaraty.gov.br/>)Ministério da Economia
(<http://www.economia.gov.br/>)Ministério da Infraestrutura
(<http://www.infraestrutura.gov.br/>)Ministério da Agricultura,
Pecuária e Abastecimento
(<http://www.agricultura.gov.br/>)Ministério da Educação
(<http://www.mec.gov.br/>)Ministério da Cidadania
(<http://cidadania.gov.br/>)Ministério da Saúde
(<http://saude.gov.br/>)Ministério de Minas e Energia
(<http://www.mme.gov.br/>)Ministério da Ciência,
Tecnologia, Inovações e
Comunicações
(<http://www.mctic.gov.br/>)Ministério do Meio Ambiente
(<http://www.mma.gov.br/>)Ministério do Turismo
(<http://www.turismo.gov.br/>)Ministério do Desenvolvimento
Regional
(<http://www.integracao.gov.br/>)Controladoria-Geral da União
(<http://www.cgu.gov.br/>)Ministério da Mulher, da Família
e dos Direitos Humanos
(<http://www.mdh.gov.br/>)Secretaria-Geral
(<http://www.secretariageral.gov.br/>)Secretaria de Governo
(<http://www.secretariadegoverno.gov.br/>)Gabinete de Segurança
Institucional
(<http://www.gsi.gov.br/>)Advocacia-Geral da União
(<http://www.agu.gov.br/>)Banco Central do Brasil
(<http://www.bcb.gov.br/>)Planalto
(<http://www.gov.br/planalto>)

Dados da Disciplina

Instituição de Ensino Superior:

UNIVERSIDADE ESTADUAL DO NORTE FLUMINENSE DARCY RIBEIRO

Programa:

BIOTECNOLOGIA VEGETAL (31033016018P2)

Nome:

ANÁLISE FUNCIONAL DE DADOS PROTEÔMICOS E TRANSCRIPTÔMICOS

Sigla:

LBC-1

Número:

2743

Créditos:

2

Período de Vigência:

03/06/2024 à -

Disciplina obrigatória:

Não

Ementa:

A disciplina de Análise Funcional de Dados aborda os aspectos fundamentais da análise de dados transcriptômicos e proteômicos. O objetivo principal é capacitar os alunos a compreenderem e aplicarem métodos de análise funcional

de dados biológicos, utilizando ferramentas computacionais e recursos bioinformáticos disponíveis. Serão explorados softwares como plantREGMap, String, Cytoscape, Gprofiler, Metascape, entre outros. Além disso, serão realizadas análises de enriquecimento de vias KEGG, enriquecimento de GO, redes de interação proteína-proteína, enriquecimento em redes e construção de gráficos. Conteúdo programático: 1. Princípios da transcriptômica e proteômica 2h 2. Workflow para análises transcriptômica e proteômica comparativas 2h 3. Análise transcriptômica e proteômica comparativa 3.1. Análises estatísticas 3.2. Cálculo de fold-change 3.3. Regulação diferencial de transcritos e proteínas 3.4. Construção de gráficos para apresentação de resultados (3 - 3.1 a 3.4) - total 6h 4. Análise funcional de dados transcriptômicos e proteômicos 4.1. Enriquecimento de ontologia gênica 4.2. Enriquecimento de vias KEGG 4.3. Análise de vias metabólicas 4.4. Interpretação de resultados (4- 4.1 a 4.4) - total 8h 5. Análise temporal de dados proteômicos 4h 6. Redes de interação proteína-proteína 6.1. Redes no STRING 6.2. Redes no Cytoscape 6.3. Refinamento da rede 6.4. Interpretação de resultados (6- 6.1 a 6.4) - total 6h 7. Trabalho prático 6h

Bibliografia:

Pinto, VB. (2023). Apostila de análise funcional de dados. Sensen, C. W. (2005). Handbook of genome research: genomics, proteomics, metabolomics, bioinformatics, ethical & legal issues. Wiley-VHC, Weinheim. Wang Y., Sun M. 2018. Transcriptome Data Analysis: Methods and Protocol. Humana Press Artigos publicados em periódicos internacionais.

Cursos

Curso:

BIOTECNOLOGIA VEGETAL

Nível:

Mestrado

Carga Horária:

34

Curso:

BIOTECNOLOGIA VEGETAL

Nível:

Doutorado

Carga Horária:

34



(/sucupira/public/index.xhtml)

(<http://www.capes.gov.br>) (<http://www.ufrn.br>) (<https://www.rnp.br>)

Compatibilidade

 (<http://www.google.com/intl/pt-BR/chrome/>)  (<http://br.mozdev.org/firefox/download/>)  (<http://www.apple.com/safari/download/>)

Versão do sistema: 3.82.8 | Copyright 2022 Capes. Todos os direitos reservados.